

Wissenschaft für Jedermann

Forschung am Campus Martinsried



NEU

Ab 2013
an den MPIs

5. März 2013

Prof. Dr. Matthias Mann
Max-Planck-Institut für Biochemie

Gesund oder krank?
Was uns die Proteomicsforschung verrät

Großer Hörsaal der Max-Planck-Institute
Martinsried, Am Klopferspitz 18
19:00 Uhr

keine Anmeldung
kostenlos

Gesund oder krank – was uns die Proteomicsforschung verrät

Die menschliche Erbanlage – das Genom – ist vor etwa zehn Jahren auf spektakuläre Weise entschlüsselt worden. Aufgabe des Genoms ist es, die etwa 20.000 verschiedenen menschlichen Eiweißstoffe oder Proteine zu kodieren. Diese Proteine können auch noch in verschiedenen Formen vorliegen, so dass die Gesamtgröße des menschlichen Proteoms sicher bei über 100.000 verschiedenen Proteinen liegt. In der Forschungsabteilung von Matthias Mann werden moderne Verfahren der Massenspektrometrie entwickelt, die das menschliche Proteom analysieren können. Durch den Vergleich des Proteinmusters in normalen Zellen und Krebszellen kann man zum Beispiel wichtige Schlüsse über den Krebszustand erhalten. Weiterhin kann man mit der Massenspektrometrie auch erfahren, welche Proteine miteinander wechselwirken und wie ihre Aktivität an und ausgeschaltet wird. In seinem Vortrag wird Matthias Mann die wichtigsten Verfahren der Proteomik und ihre Anwendungsgebiete in Biologie und Medizin beschreiben.



Prof. Dr. Matthias Mann ist Direktor am Max-Planck-Institut für Biochemie und leitet die Forschungsabteilung „Proteomics und Signaltransduktion“.

Weitere Informationen erhalten Sie unter:
www.biochem.mpg.de/mann

NEU

**Ab 2013
an den MPIs**

Anfahrt



U-Bahn U6 (Richtung Klinikum Großhadern) bis zur Haltestelle Großhadern. Danach mit dem Bus 266, Richtung Planegg, bis zur Haltestelle Max-Planck-Institute.